



<b>Patientendaten</b>	Einsendende Praxis /Arzt mit LANR	<b>An:</b> Molekularpathologie Südbayern Giesinger Bahnhofplatz 2 D-81539 München
<b>Name:</b>	Befundempfänger	Tel: 089 2620817-00
<b>Vorname:</b>		Fax: 089 2620817-88
<b>Geb.-Datum:</b>	<u>Datum:</u>	
<b>Eingangsnummer:</b>		
<b>Blocknummer:</b>		

Kassenpatient Stationär Privat Ambulant Operieren / §116b 

ICD-10 \_\_\_\_\_

Eingeben  
in Nexus
**Material, Entnahmestelle, Diagnose:  
 Klinische Fragestellung:**

 falls mehrere Materialien: poolen  separat   
 ggf. weitere Infos:

 Falls nicht auf OT →  
 Freigabe Material und  
 Auftrag (Kürzel, Datum):

<b>Tumor-Analysen</b>
<b>NGS-Panelsequenzierungen</b>
<b>FoundationONE®CDx</b> (am Standort Penzberg): <b>Solide Tumore</b> 315 Gene, 28 Translokationen, Mikrosatellitenstatus, TMB
<b>FoundationONE® HEME</b> (Standort Penzberg): <b>Hämatopathologie, Sarkome: 406</b> Gene, 265 Translokationen, Mikrosatellitenstatus, TMB
<b>NGS-Panels</b> (am Standort München): <b>Diverse Neoplasien</b>
<b>DNA-Panel: Mutationen:</b> AKT1, ALK, BRAF, CCND1, CTNNB1, DDR2, EGFR, EIF1AX, ERBB2 (HER2), FGFR1, FGFR2, FGFR3, GNAS, HRAS, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MAP2K1, MDM2, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, RET, ROS1, STK11, TERT, TP53, TSHR
<b>RNA-Panel L: Fusionen und Translokationen:</b> AKT1, ALK, AXL, BRAF, CALCA, CCND1, CTNNB1, DDR2, EGFR, ERBB2 (HER2), FGFR1, FGFR2, FGFR3, GNAS, HRAS, IDH1, IDH2, KRAS, KRT20, KRT7, MAP2K1, MET, NRAS, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PIK3CA, PPARC, PTH, RAF1, RET, ROS1, SLC5A5, THADA, TTF1
<b>RNA-Panel M: Fusionen und Translokationen:</b> ALK, BRAF, EGFR, FGFR1, FGFR2, FGFR3, KRAS, MET, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, RET, ROS1
<b>NTRK: NTRK-Fusionen:</b> NTRK1, NTRK2, NTRK3, ... (=RNA-Panel M)
<b>BRCA:</b> Mutationssuche in BRCA1 & BRCA2: <b>Ovarial-, Prostata-, Pankreas-, Mamma-CA</b>
<b>Paneldiagnostik Tumore</b>
<b>RAS/BRAF-Stufenpanel:</b> KRAS Ex 2 + BRAF → bei WT → Rest RAS
<b>Lungen-Panel 1:</b> Mut.: EGFR, BRAF Transl.: ALK, ROS1
<b>Lungen-Panel 2:</b> Mut.: HER2 Ex20, MET Ex14-Skipping Transl./Ampl.: RET <sup>F</sup> , HER2 <sup>C</sup> , MET <sup>F</sup> F: FISH, C:CISH
<b>Melanom Stufenpanel:</b> BRAF bei WT → KIT, NRAS
<b>HNPCC Prädiagnostik-Stufenpanel:</b> MSI → BRAF → MLH1-Methylierungsanalyse
<b>Mutationsanalysen und Ähnliches</b>
<b>beta-Catenin (CTNNB1):</b> Exon 3
<b>BRAF:</b> Exon 15; Kodon 600
<b>EGFR:</b> Exons 18, 19, 21, T790M
<b>EndoPredict®-Test:</b> Genexpressionstest für Mamma-CA
<b>FOXL2:</b> 402C>G
<b>HER2:</b> Exon 20
<b>IDH1/2:</b> Exon 4
<b>KIT:</b> Exons 9, 11, 13, 17
<b>KRAS:</b> Exons 2, 3, 4
<b>LOH:</b> loss of heterozygosity; chromosomale Verluste: 1p, 19q, 10p
<b>MET:</b> Exon 14-Skipping
<b>MGMT</b> Methylierungsanalyse des MGMT-Promotors
<b>Mikrosatelliteninstabilität (MSI)-Analyse:</b> Fragestellung HNPCC oder mol. Grading?
<b>MLH1-Methylierungsanalyse</b> (bei V.a. HNPCC mit MSI-H & MLH1 neg. & BRAF WT)
<b>NRAS:</b> Exons 2, 3, 4
<b>P53:</b> Exons 5, 6, 7, 8
<b>PDGFRA:</b> Exons 12, 14, 18
<b>PIK3CA:</b> Exons 9, 20
<b>POLE:</b> Exons 9, 13, 14: Endometrium-CA
<b>RET:</b> Mutationsanalysen! Exons 10,11,15,16: medul. Schilddrüsen-CA, MEN
<b>in-situ Hybridisierungen (ISH):</b> Amplifikationen & Translokationen
<b>ALK:</b> Translokation FISH
<b>HER2:</b> Amplifikation CISH
<b>MET:</b> Amplifikation FISH
<b>MDM2:</b> Amplifikation CISH: Liposarkome
<b>ROS1:</b> Translokation (FISH)
<b>RET:</b> Translokation (FISH)
<b>PDGFB:</b> Translokation (FISH): Dermatofibrosarcoma protuberans

<b>Hämatopathologische Diagnostik</b>	
<b>B-Zell-Klonalität</b> (IGHG1 FR2 & FR3)	
<b>T-Zell-Klonalität</b> (TCRG)	
<b>CyclinD1(BCL1)-IgH-Translokation</b> t(11;14): Mantelzell-Lymphom	FISH
<b>BCL2-IgH-Translokation</b> t(14;18): Follikuläres Lymphom	
<b>BCR-ABL-Translokation</b> t(9;22): CML, ALL	FISH
<b>MYC-Translokationen</b> t(8;14), t(2;8), t(8;22): Burkitt-Lymphom	FISH
<b>KIT</b> (D816V Mutation): Mastozytose	
<b>MYD88</b> (L265P-Mutation): Morbus Waldenström	
<b>MPN Diagnostik Panel:</b> JAK2 V617F, CALR, JAK Exon 12, MPL	Myeloproliferative Neoplasien (MPN)
<b>JAK2 V617F</b> Mutation	
<b>CALR (Calreticulin)</b> Mutationen	
<b>JAK2 Exon 12</b> Mutationen	
<b>MPL</b> (meist W515-Mutation)	
<b>MPN High Risk Panel:</b> SRSF2, EZH2, ASXL1, IDH1/2 Mutationshotspots	
<b>Erreger</b>	
<b>Bartonella henselae:</b> Katzenkratzkrankheit, Pyogranulom	
<b>Cytomegalie Virus:</b> CMV-Infektion	
<b>Chlamydia trachomatis:</b> Chlamydien-Infektionen, Pyogranulom	
<b>Epstein-Barr Virus:</b> EBV-assoziierte Tumore	
<b>Fungi</b> (Nachweis & Typisierung): Pilzinfektionen	
<b>Helicobacter pylori</b> (Nachweis & Clarithromycin-Resistenztest): Gastritis, MAL-Lymphom, HP-Eradikation	
<b>Herpes Simplex Virus I und II:</b> Herpes-Infektion	
<b>HHV-8:</b> Kaposi-Sarkom, Körperhöhlenlymphom	
<b>HPV</b> (Nachweis und Typisierung): u. a. Cervix-CA; PAP III	
<b>JC-Virus:</b> Progressive multifokale Leukenzephalopathie	
<b>Leishmania:</b> Leishmaniose	
<b>Mykobakterien: M. tuberculosis-Komplex (TBC):</b> TBC, granulomatöse Entzündungen mit Rifampicin-Resistenztest bei positivem M. tuberculosis-Nachweis	
<b>atypische Mykobakterien / MOTT</b> (Nachweis, Typisierung): granulomatöse Entzündungen	
<b>Toxoplasma gondii:</b> Toxoplasmose	
<b>Tropheryma whipplei:</b> Morbus Whipple	
<b>Yersinia pseudotuberculosis &amp; Y. enterocolitica:</b> Pyogranulom, Lymphadenitis	
<b>Sarkome: Translokationsanalysen</b> mittels PCR	
<b>EWS-ATF1:</b> Klarzellsarkom	
<b>EWS-FLI1 &amp; EWS-ERG:</b> Ewing-Sarkom	
<b>EWS-WT1:</b> Desmoplastic Small Round Cell Tumor	
<b>FUS-CHOP:</b> Myxoides u. rundzelliges Liposarkom	
<b>FUS-CREB 3L2:</b> Low-grade Fibromyxoid-Sarkom	
<b>PAX3/PAX7-FKHR:</b> Alveoläres Rhabdomyosarkom	
<b>SYT-SSX:</b> Synoviales Sarkom	
<b>Sonstiges</b>	
<b>HFE-Mutationen:</b> Hämochromatose	
<b>PiZ-Mutationen:</b> alpha-1 Antitrypsinmangel	
<b>Patientenidentifizierung:</b> Zuordnungen Patientenproben zu Referenzmaterial	
<b>DPD-Mutationen</b> (=DPYD): 5-FU (Fluoruracil)-Toxizität	

Kommentare: